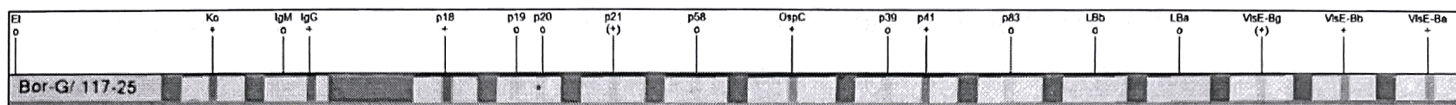


Position	Sample Na	Gene Name	Cq	Concentrat	Call	Excluded	Sample Ty	Standard	Cq Mean	Cq Error	Concentrat	Concentrat	Replicate	C Dye	Edited Call	Slope	EPF	Failure	Notes	Sample Pre Number
A1	SF6	16S rRNA	-	-	Negative	Unchecked	Unknown	-	-	-	-	-	-	FAM	0.00	0.01	None			1
A1	SF6	None	31.16	-	Positive	Unchecked	Unknown	-	31.16	0.00	-	-	-	Hex	0.30		lut-88	None		2
A3	SF7	16S rRNA	-	-	Negative	Unchecked	Unknown	-	-	-	-	-	-	FAM	0.00	0.06	None			3
A3	SF7	None	31.80	-	Positive	Unchecked	Unknown	-	31.80	0.00	-	-	-	Hex	0.33		lut-98	None		4
A5	SF8	16S rRNA	-	-	Negative	Unchecked	Unknown	-	-	-	-	-	-	FAM	0.00	0.01	None			5
A5	SF8	None	31.73	-	Positive	Unchecked	Unknown	-	31.73	0.00	-	-	-	Hex	0.32		lut-85	None		6
A7	SF9	16S rRNA	-	-	Negative	Unchecked	Unknown	-	-	-	-	-	-	FAM	0.00	0.01	None			7
A7	SF9	None	31.98	-	Positive	Unchecked	Unknown	-	31.98	0.00	-	-	-	Hex	0.32		lut-87	None		8
A9	SF10	16S rRNA	-	-	Negative	Unchecked	Unknown	-	-	-	-	-	-	FAM	0.00	0.01	None			9
A9	SF10	None	31.97	-	Positive	Unchecked	Unknown	-	31.97	0.00	-	-	-	Hex	0.33		03-lut	None		10
A11	SF11	16S rRNA	-	-	Negative	Unchecked	Unknown	-	-	-	-	-	-	FAM	0.00	0.04	None			11
A11	SF11	None	31.68	-	Positive	Unchecked	Unknown	-	31.68	0.00	-	-	-	Hex	0.33		03-lut	None		12
C1	SF12	16S rRNA	-	-	Negative	Unchecked	Unknown	-	-	-	-	-	-	FAM	0.00	0.05	None			13
C1	SF12	None	31.64	-	Positive	Unchecked	Unknown	-	31.64	0.00	-	-	-	Hex	0.32		lut-96	None		14
C3	SF13	16S rRNA	-	-	Negative	Unchecked	Unknown	-	-	-	-	-	-	FAM	0.00	0.05	None			15
C3	SF13	None	30.98	-	Positive	Unchecked	Unknown	-	30.98	0.00	-	-	-	Hex	0.32		lut-99	None		16
C5	SF14	16S rRNA	-	-	Negative	Unchecked	Unknown	-	-	-	-	-	-	FAM	0.00	0.01	None			17
C5	SF14	None	31.78	-	Positive	Unchecked	Unknown	-	31.78	0.00	-	-	-	Hex	0.31		lut-86	None		18
C7	SF15	16S rRNA	-	-	Negative	Unchecked	Unknown	-	-	-	-	-	-	FAM	0.00	0.03	None			19
C7	SF15	None	32.12	-	Positive	Unchecked	Unknown	-	32.12	0.00	-	-	-	Hex	0.32		lut-86	None		20
C9	SF16	16S rRNA	-	-	Negative	Unchecked	Unknown	-	-	-	-	-	-	FAM	0.00	0.00	None			21
C9	SF16	None	31.82	-	Positive	Unchecked	Unknown	-	31.82	0.00	-	-	-	Hex	0.33		03-mar	None		22
C11	SF17	16S rRNA	-	-	Negative	Unchecked	Unknown	-	-	-	-	-	-	FAM	0.00	0.04	None			23
C11	SF17	None	31.52	-	Positive	Unchecked	Unknown	-	31.52	0.00	-	-	-	Hex	0.33		03-sie	None		24
E1	SF18	16S rRNA	-	-	Negative	Unchecked	Unknown	-	-	-	-	-	-	FAM	0.00	0.02	None			25
E1	SF18	None	32.30	-	Positive	Unchecked	Unknown	-	32.30	0.00	-	-	-	Hex	0.31		lut-78	None		26
E3	SF19	16S rRNA	-	-	Negative	Unchecked	Unknown	-	-	-	-	-	-	FAM	0.00	0.01	None			27
E3	SF19	None	32.02	-	Positive	Unchecked	Unknown	-	32.02	0.00	-	-	-	Hex	0.31		lut-82	None		28
E5	SF20	16S rRNA	-	-	Negative	Unchecked	Unknown	-	-	-	-	-	-	FAM	0.00	0.04	None			29
E5	SF20	None	31.40	-	Positive	Unchecked	Unknown	-	31.40	0.00	-	-	-	Hex	0.30		lut-81	None		30
E7	SF21	16S rRNA	-	-	Negative	Unchecked	Unknown	-	-	-	-	-	-	FAM	0.00	0.01	None			31
E7	SF21	None	31.94	-	Positive	Unchecked	Unknown	-	31.94	0.00	-	-	-	Hex	0.31		lut-78	None		32
E9	SF22	16S rRNA	-	-	Negative	Unchecked	Unknown	-	-	-	-	-	-	FAM	0.00	0.00	None			33
E9	SF22	None	32.08	-	Positive	Unchecked	Unknown	-	32.08	0.00	-	-	-	Hex	0.33		lut-92	None		34
E11	SF23	16S rRNA	-	-	Negative	Unchecked	Unknown	-	-	-	-	-	-	FAM	0.00	0.00	None			35
E11	SF23	None	31.71	-	Positive	Unchecked	Unknown	-	31.71	0.00	-	-	-	Hex	0.33		lut-97	None		36
G1	SF24	16S rRNA	-	-	Negative	Unchecked	Unknown	-	-	-	-	-	-	FAM	0.00	0.00	None			37
G1	SF24	None	31.19	-	Positive	Unchecked	Unknown	-	31.19	0.00	-	-	-	Hex	0.32		03-sty	None		38
G3	SF25	16S rRNA	-	-	Negative	Unchecked	Unknown	-	-	-	-	-	-	FAM	0.00	0.04	None			39
G3	SF25	None	32.35	-	Positive	Unchecked	Unknown	-	32.35	0.00	-	-	-	Hex	0.30		lut-68	None		40
G5	SF26	16S rRNA	-	-	Negative	Unchecked	Unknown	-	-	-	-	-	-	FAM	0.00	0.00	None			41
G5	SF26	None	31.95	-	Positive	Unchecked	Unknown	-	31.95	0.00	-	-	-	Hex	0.32		lut-86	None		42
G7	SF27	16S rRNA	-	-	Negative	Unchecked	Unknown	-	-	-	-	-	-	FAM	0.00	0.01	None			43
G7	SF27	None	32.37	-	Positive	Unchecked	Unknown	-	32.37	0.00	-	-	-	Hex	0.31		lut-76	None		44
G9	SF28	16S rRNA	-	-	Negative	Unchecked	Unknown	-	-	-	-	-	-	FAM	0.00	0.02	None			45
G9	SF28	None	31.65	-	Positive	Unchecked	Unknown	-	31.65	0.00	-	-	-	Hex	0.33		lut-97	None		46
G11	SF29	16S rRNA	-	-	Negative	Unchecked	Unknown	-	-	-	-	-	-	FAM	0.00	0.03	None			47
G11	SF29	None	31.02	-	Positive	Unchecked	Unknown	-	31.02	0.00	-	-	-	Hex	0.28		lut-66	None		48
H12	PC	None	31-lip	-	Positive	Unchecked	Positive coi-	-	31-lip	0.00	-	-	-	FAM	0.54		kwi-51	None		49
H12	PC	None	-	-	Negative	Unchecked	Positive coi-	-	-	-	-	-	-	Hex	0.00	0.03	Pos Ctrl is negative			50

Teresa

ID pacjenta: ██████████ Teresa
Utworzony dnia: 2019-02-11
PESEL: ██████████

Test: EUROLINE Borrelia IgG
Nazwisko pacjenta: ██████████ Teresa



Antygen	Intensywność	Klasa	o (+) +
VisE Borrelia afzelii (VisE-Ba)	46	+	[Bar]
VisE Borrelia burgdorferi (VisE-Bb)	51	+	[Bar]
VisE Borrelia garinii (VisE-Bg)	15	(+)	[Bar]
Lipid Borrelia afzelii (LBa)	1	o	[Bar]
Lipid Borrelia burgdorferi (LBb)	0	o	[Bar]
p83 (p83)	8	o	[Bar]
Flagellin (p41)	62	+	[Bar]
BmpA (p39)	8	o	[Bar]
OspC (OspC)	54	+	[Bar]
BB_A34 (p58)	4	o	[Bar]
BB_K53 (p21)	12	(+)	[Bar]
BB_Q03 (p20)	7	o	[Bar]
BB_N38 (p19)	7	o	[Bar]
BB_P38 (p18)	90	+	[Bar]
Kontrola Koniugatu IgG (IgG)	80	+	[Bar]
Kontrola Koniugatu IgM (IgM)	-1		[Bar]
Pasmo kontrolne (Ko)	80	+	[Bar]

Test	Wynik
EUROLINE Borrelia IgG	pozytywny

Intensywność	Klasa	Objaśnienie
0 - 11	o	negatywny
12 - 18	(+)	Graniczne
19 - 256	+	pozytywny

Podpis: _____

Artmedik 

PRACOWNIA BIOLOGII
MOLEKULARNEJ

SPRAWOZDANIE Z BADAŃ

NR SF27/2019

Nazwisko i imię pacjenta	██████████ Teresa
PESEL pacjenta	██████████
Data przyjęcia próbki	11.05.2019
Data sporządzenia sprawozdania	27.05.2019
Numer identyfikacyjny próbki	SF27

Typ próbki: **płyn stawowy**

Badany patogen	Wynik badania	Metoda badania	Uwagi
<i>Borrelia burgdorferi sensu lato</i>	Negatywny	Real-Time PCR	Brak

Krótki opis metodyki: Badanie płynu stawowego wykonano metodą Real-Time PCR. Metoda ta oparta jest na analizie materiału genetycznego wyizolowanego z pobranej próbki pod kątem obecności DNA określonych patogenów z gatunku *Borrelia*. Metoda składa się z dwóch etapów. Pierwszy etap polega na izolacji materiału genetycznego (DNA) z pobranej próbki. W drugim etapie wykonywana jest reakcja Real Time PCR, która wykrywa sekwencje DNA wskazujące na obecność w płynie stawowym określonych patogenów z gatunku *Borrelia*.

Wynik pozytywny – wykryto obecność sekwencji genowej wskazującej na obecność patogenu/patogenów gatunku *Borrelia* z grupy *Borrelia burgdorferi sensu lato*.

Wynik negatywny – nie wykryto obecność sekwencji genowej wskazującej na obecność patogenu/patogenów gatunku *Borrelia* z grupy *Borrelia burgdorferi sensu lato*.

Czułość metody (LoD – granica wykrywalności) dochodzi do 0,568 cp/μl z prawdopodobieństwem wynoszącym 95%.

